

## INFORME DE VIGILÀNCIA DE LES VARIANTS GENÒMIQUES DEL CORONAVIRUS SARS-CoV-2 A CATALUNYA.

Setmana 45 - 2022 (7 – 13 de novembre de 2022)

### CASOS NOTIFICATS AL SISTEMA DE NOTIFICACIÓ MICROBIOLÒGICA DE CATALUNYA (SNMC)

#### Resum del més destacat

##### Cribratge

Segons els resultats del cribratge, durant la **setmana 45**, el percentatge de casos compatibles amb la variant òmicron ha estat del 93,2% de BA.4/BA.5 (165 casos), del 78,3% de BA.1/BA.4/BA.5 (90 casos), del 4,5% (11 casos) de BA.2 i del 2,8% de BA.1.

Respecte a la setmana 44, el percentatge de BA.4/BA.5 ha augmentat un 0,5% (de 92,7% a 93,2%), el percentatge de BA.1/BA.4/BA.5 ha disminuït un 15,3% (de 92,4% a 78,3%), BA.2 i BA.1 han augmentat un 4,7% (de 4,3% a 4,5%) i 40,0% (de 2,0% a 2,8%), respectivament.

##### Seqüenciació

Durant la **setmana 43**, s'han seqüenciat **88 casos**, la qual cosa representa el **5,1%** del total de casos de coronavirus SARS-CoV-2 amb PCR positiva. La variant òmicron continua essent la predominant, amb el 100,0% dels casos.

##### Òmicron (BA.1 - BA.5)

- El primer cas a Catalunya es va notificar durant la setmana 47 del 2021.
- Durant les setmanes 38-43 s'han notificat un total de 868 casos, classificats en 2 llinatges i 72 subllinatges.
- En les darreres sis setmanes els subllinatges més freqüents han estat BQ.1.1 (135 casos; 15,6%), seguit de BA.5.2 (115 casos; 13,2%) i de BA.5.1 (114 casos; 13,1%).
- En la setmana 43, el predominant ha estat BQ.1 amb 34 casos (25 casos s'han identificat com a BQ.1.1; 28,4%, i 9 casos de BQ.1; 10,2%).
- Durant les setmanes 38-43 s'han detectat 3 recombinants: un cas de XAZ (setm. 41) i dos de XBB.1 (setm. 41 i 42).
- El grup d'edat amb més freqüència ha estat el de 80-89 anys (21,6%), seguit del grup de 70-79 anys (15,3%).

La vigilància de les variants del SARS-CoV-2 té interès per a la salut pública, ja que aquestes poden tenir més transmissibilitat, ser més virulentes i ocasionar que la malaltia sigui més greu o que tingui més mortalitat, o també poden escapar de l'efecte dels anticossos adquirits després d'una infecció natural o de la vacunació. Així doncs, és important conèixer les variants que es troben a cada territori per tal de saber la prevalença de les variants circulants, la situació epidemiològica i avaluar les mesures de salut pública que s'hagin de prendre en cas necessari.

Les variants del SARS-CoV-2 es classifiquen en dues categories: les variants de preocupació (VOC, *variants of concern*) i les variants d'interès (VOI, *variants of interest*). Una variant del SARS-CoV-2 és una VOI si té un genoma amb mutacions que condueixen a canvis d'aminoàcid que poden incloure canvis en l'epidemiologia, antigenicitat o virulència, o canvis que tenen un impacte negatiu en el diagnòstic, les vacunes, les teràpies o les mesures socials i de salut pública; si s'ha identificat que causa múltiples casos de transmissió comunitària o s'ha detectat en diversos països.

Una VOI del SARS-CoV-2 passa a ser una VOC si s'ha demostrat que, a més, està associada a un augment de la transmissibilitat o canvi perjudicial en l'epidemiologia de la COVID-19, un augment de la virulència o canvi en la presentació clínica de la malaltia, o una disminució de l'eficàcia de les mesures socials i de salut pública (diagnòstic, tractament i vacunes).

Actualment, tant per l'Organització Mundial de la Salut (OMS)<sup>1</sup> com pel Centre Europeu per a la Prevenció i el Control de Malalties (ECDC)<sup>2</sup>, la variant considerada VOC és l'òmicron (els llinatges BA.2, BA.4 i BA.5 i els subllinatges derivats d'aquests) i les considerades VOI són BA.2.75 i BQ.1 (annex 2).

Les variants alfa (B.1.1.7), beta (B.1.351) i gamma (P.1) van deixar de ser VOC el 9 de març del 2022. Delta (B.1.617.2) va deixar de ser VOC el 7 de juny del 2022.

Per saber la prevalença de les variants circulants a Catalunya es fa una vigilància de seqüenciació amb mostres aleatòries i una vigilància dirigida –indicada des de la Xarxa de Vigilància Epidemiològica de Catalunya (XVEC)– de les situacions rellevants per a la salut pública que ajudin a entendre el context dels casos que tenen més transmissibilitat, persones amb sospita de reinfeccions o vacunades, entre d'altres, per tal de poder confirmar la variant, el llinatge o el subllinatge.

---

<sup>1</sup> [Pàgina web de les VOC de la OMS](#)

<sup>2</sup> [Pàgina web de les VOC de la ECDC](#)

Amb aquesta finalitat, la Subdirecció General de Vigilància i Resposta a Emergències de Salut Pública coordina la vigilància de les variants del SARS-CoV-2 amb els laboratoris que fan seqüenciació (parcial o completa) del genoma del coronavirus SARS-CoV-2. Les seqüenciacions i els cribratges dels casos els han fet els centres que consten a l'annex 1 i els resultats d'aquests s'han notificat al Sistema de Notificació Microbiològica de Catalunya (SNMC). Per a més informació del procediment, podeu consultar-ne el protocol.

Segons els resultats de cribratge, el percentatge de casos compatibles amb la variant òmicron ha estat del 93,2% (165 casos, 5 centres) de BA.4/BA.5, del 78,3% (90 casos, 6 centres) de BA.1/BA.4/BA.5, del 4,5% (11 casos, 7 centres) de BA.2 i del 2,8% (5 casos, 5 centres) de BA.1 la setmana 45 (7-13 de novembre de 2022) respecte del nombre total de PCR positives realitzades amb una PCR capaç de detectar aquesta variant. Respecte de la setmana anterior (setmana 44), el percentatge de BA.4/BA.5 ha augmentat un 0,5%; BA.1/BA.4/BA.5 ha disminuït un 15,3%, BA.2 ha augmentat un 4,7% i BA.1 ha augmentat un 40,0%.

**Des del 4 de gener del 2021 fins al 13 de novembre del 2022 (setmana 45)** s'han analitzat els casos seqüenciats notificats pels centres de forma individualitzada de les variants del SARS-CoV-2. Cal tenir en compte que els resultats de seqüenciació es notifiquen amb uns 15 dies de retard des del diagnòstic.

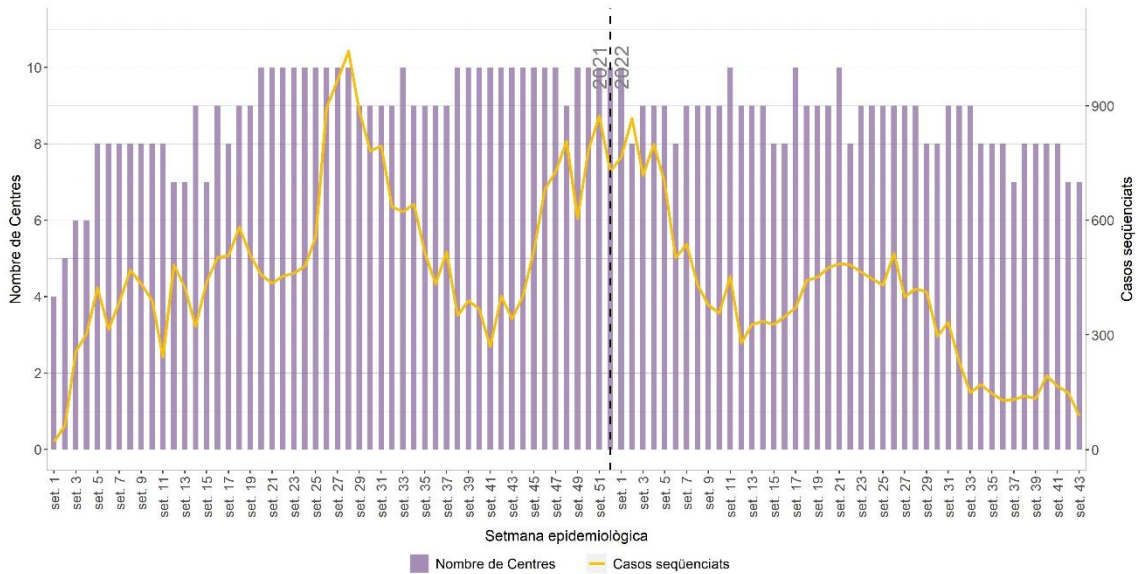
Les variables epidemiològiques analitzades han estat les següents: edat, sexe, setmana de diagnòstic i servei de vigilància epidemiològica (SVE).

Els casos notificats s'han extret del repositori VARCO i estan validats, depurats i contrastats amb els casos confirmats per PCR obtinguts del registre TAGA-COVID-19.

Durant el període d'estudi s'han seqüenciat **43.251 casos**. El nombre de seqüenciacions va augmentar en les primeres setmanes, amb un pic màxim la setmana 28 (1.028 casos). A partir d'aquí van anar disminuint fins a arribar a 273 casos la setmana 41. Des d'aleshores, el nombre de seqüenciacions va tornar a augmentar fins a la setmana 51 (839 casos) (figura 1) i han anat disminuint progressivament.



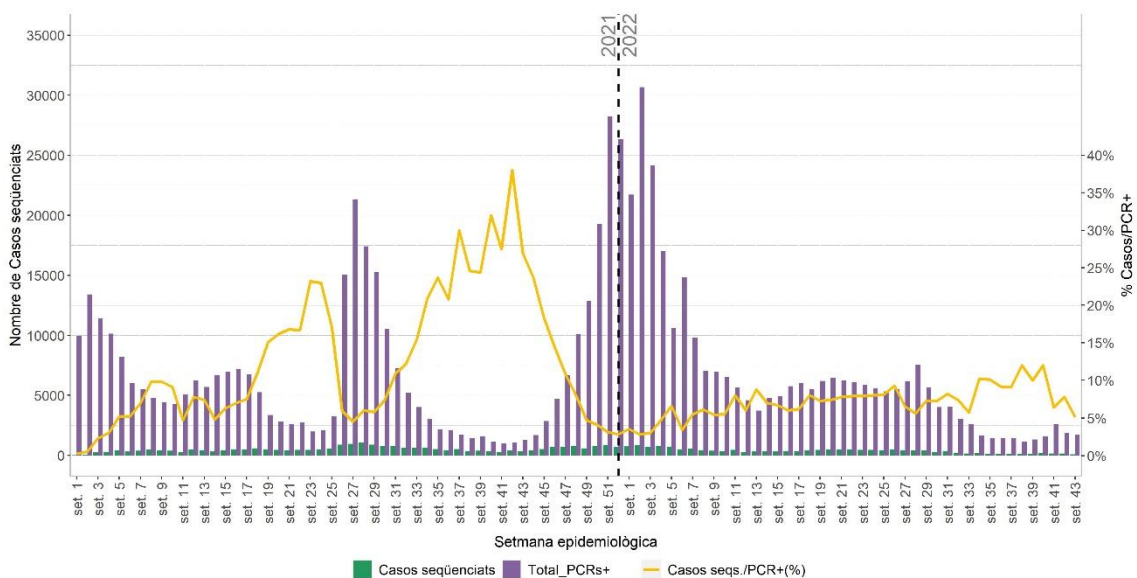
Figura 1. Nombre de casos de SARS-CoV-2 seqüenciats per nombre de centres declarants. Catalunya, 4 de gener de 2021 - 30 d'octubre de 2022



Font: Sistema de Notificació Microbiològica de Catalunya. Subdirecció General de Vigilància i Resposta a Emergències de Salut Pública. Secretaria de Salut Pública.

Durant les setmanes 41 (10 - 16 d'octubre), 42 (17 - 23 d'octubre) i 43 (24 - 30 d'octubre) s'ha fet la seqüenciació completa dels casos de SARS-CoV-2 positius per PCR a 166 mostres (6,4%), 148 mostres (7,8%) i 88 mostres (5,1%) del total de casos, respectivament (figura 2).

Figura 2. Nombre i percentatge de casos de SARS-CoV-2 seqüenciats per setmanes. Catalunya, 4 de gener de 2022 – 30 d'octubre de 2022



Font: Sistema de Notificació Microbiològica de Catalunya. Subdirecció General de Vigilància i Resposta a Emergències de Salut Pública. Secretaria de Salut Pública.

El percentatge de seqüenciació ha estat molt heterogeni entre els SVE i ha anat canviant al llarg dels mesos. Durant el mes d'octubre, l'SVE amb més percentatge de seqüenciació respecte a casos de SARS-CoV-2 amb PCR positiva ha estat Barcelona Sud (11,7%), seguit de Girona i Tarragona (8,2%) (taula 1).

*Taula 1. Nombre de casos de SARS-CoV-2 seqüenciats i percentatge per SVE i mes de diagnòstic. Catalunya, 4 de gener de 2021 - 30 d'octubre de 2022*

		Barcelona Sud		Barcelona Nord - Maresme		Catalunya Central		Barcelona Ciutat		Girona		Lleida		Tarragona		Terres de l'Ebre		Vallès	
		Casos	%	Casos	%	Casos	%	Casos	%	Casos	%	Casos	%	Casos	%	Casos	%	Casos	%
2021	Total	3.167	5,3%	5.559	13,5%	1.548	5,8%	5.974	7,4%	2.629	8,1%	794	3,5%	906	4,2%	138	2,8%	4.595	5,7%
2022	Gener	374	2,6	511	5,0	190	3,5	1201	5,3	356	4,6	26	0,5	119	2,2	13	0,9	397	1,8
	Febrer	331	5,1	382	9,1	120	4,9	423	4,7	208	6,5	143	5,2	37	1,3	12	1,5	403	4,9
	Març	344	9,1	230	9,3	66	4,9	328	5,7	181	9,1	69	4,6	35	1,8	7	1,2	305	5,9
	Abril	248	6,3	235	9,1	58	4,5	216	4,0	173	8,6	110	9,2	46	3,7	14	3,1	299	7,4
	Maig	374	6,1	220	7,4	78	5,2	392	7,4	181	5,7	234	16,0	99	5,9	25	6,3	456	9,5
	Juny	325	5,9	286	11,7	56	4,7	383	7,3	189	7,3	215	16,0	86	5,5	27	7,3	396	10,7
	Juliol	385	7,9	215	8,9	47	3,3	377	5,6	139	5,8	178	9,3	89	5,1	18	4,1	234	7,1
	Agost	189	11,2	108	8,6	64	6,4	155	4,7	87	8,8	145	11,1	46	6,4	8	3,7	170	9,7
	Setembre	105	13,3	89	16,0	46	7,6	81	6,0	33	6,9	122	17,5	18	7,1	4	6,9	68	7,5
	Octubre	155	11,7	60	7,8	45	7,3	143	6,5	42	8,2	70	7,4	35	8,2	4	4,9	56	3,8

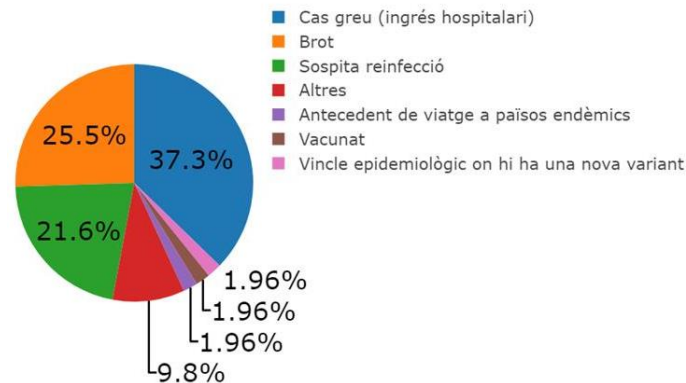
Font: Sistema de Notificació Microbiològica de Catalunya. Subdirecció General de Vigilància i Resposta a Emergències de Salut Pública. Secretaria de Salut Pública.

## MOTIUS DE SEQÜENCIACIÓ

Del total de casos seqüenciats dels quals s'ha notificat el tipus de seqüenciació (40.387 casos), el 73,3% ha estat aleatori i el 26,7% no aleatori. D'aquests últims, el motiu de seqüenciació més freqüent ha estat "vacunació", amb 6.703 casos (62,1%).

Durant les setmanes 38 - 43, dels 868 casos, el 94,1% de les seqüenciacions han estat aleatòries i el 5,9% no aleatòries. El motiu de seqüenciació no aleatori més freqüent ha estat "cas greu (ingrés hospitalari)" amb el 37,2% (rang del 0,0%-67,9%), seguit de "brot" amb el 25,3% (rang del 0,0%-66,7%) (figura 3).

*Figura 3. Motiu de seqüenciació no aleatòria pels casos de les últimes sis setmanes. Catalunya, 19 de setembre – 30 d'octubre de 2022*



Font: Sistema de Notificació Microbiològica de Catalunya. Subdirecció General de Vigilància i Resposta a Emergències de Salut Pública. Secretaria de Salut Pública.

## **VARIANT DE PREOCUPACIÓ (VOC, VARIANTS OF CONCERN)**

El 24 de novembre de 2021, Sud-àfrica va notificar a l'OMS una nova variant, l'anomenada òmicron (B.1.1.529), que actualment engloba els llinatges BA.1-BA.5. Els subllinatges primaris de BA.2.12.1, BA.2.75.1, BA.2.75.3, BA.2.75.6, BA.5.1.10, BA.5.2.1 i BA.5.3.1 es designen BG.\*, BL.\*, BM.\*, BY.\*, BK.\*, BF.\* i BE.\*, respectivament. El subllinatge BE.1.1.1 s'ha designat BQ.\*.

Els recombinants que reben una classificació PANGO tenen una designació de llinatge X\*, XE, XZ, XAC i XAP són recombinants de BA.1\* i BA.2\*. XAS és un recombinant de BA.2\* i BA.5\*, i XBB és un recombinant de BA.2.10.1 i BA.2.75.

A Catalunya, el 28 de novembre de 2021 se'n va notificar el primer cas.

**Del total de casos seqüenciats** des del 4 de gener de 2021 (43.251 casos), el 94,6% (n = 40.910) han estat alfa, beta, gamma, delta o òmicron, i el 5,4% (n = 2.341) VOI i altres variants.

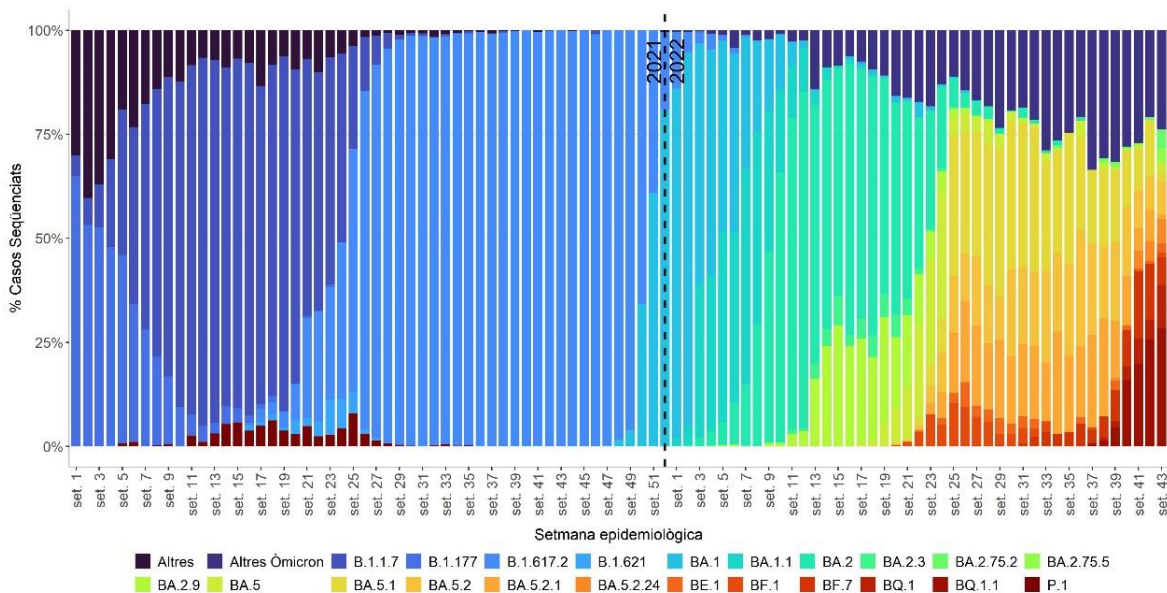
A l'inici del 2021 es va observar un augment progressiu dels casos per la variant alfa, amb un pic màxim la setmana 18 (490 casos), i a partir de la setmana 20 van anar disminuint de forma important (figures 4 i 5). L'últim cas es va notificar durant la setmana 46 del 2021.

Des de la setmana 26 i 43 del 2021 no s'ha detectat cap cas de variant beta ni de variant gamma, respectivament.

Els primers casos de la variant delta es van detectar durant la setmana 16 del 2021 (3 casos). Des d'aleshores ha presentat un creixement notable superant la variant alfa a la setmana 25, i és la variant predominant fins a la setmana 50 del 2021. La variant òmicron va ser detectada per primer cop a la setmana 47 del 2021, amb un increment exponencial, i es converteix en la variant predominant a partir de la setmana 51 del 2021 (figura 4 i 5, taula 2). Els casos d'aquesta variant es mantenen constants des de la setmana 13 del 2022 fins a la setmana 29 que disminueixen coincidint amb la reducció de la incidència de la malaltia.

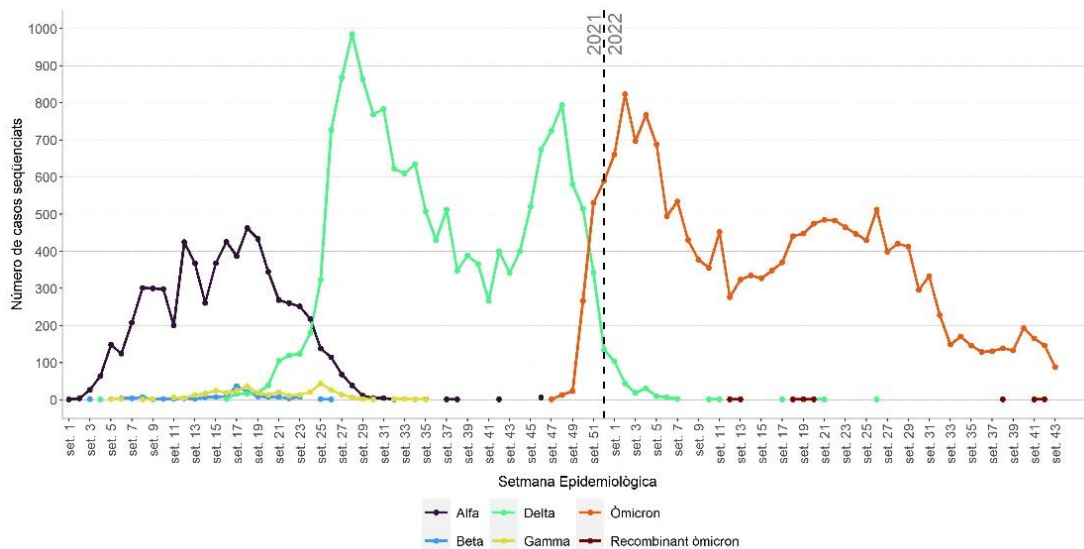
Degut a la reclassificació constant dels diferents llinatges pot fer que les dades anteriors a la setmana 12 poden no estar actualitzades segons les reclassificacions de GISAID.

*Figura 4. Percentatge dels casos dels llinatges i variants del SARS-CoV-2 més freqüents per setmana. Catalunya, 4 de gener de 2021 – 30 d'octubre de 2022*



Font: Sistema de Notificació Microbiològica de Catalunya. Subdirecció General de Vigilància i Resposta a Emergències de Salut Pública. Secretaria de Salut Pública.

*Figura 5. Nombre de casos de SARS-CoV-2 segons VOC i setmana. Catalunya, 4 de gener de 2021 – 30 d'octubre de 2022*



Font: Sistema de Notificació Microbiològica de Catalunya. Subdirecció General de Vigilància i Resposta a Emergències de Salut Pública. Secretaria de Salut Pública.

En les darreres sis setmanes (38-43) els 868 casos d'òmicron s'han distribuït en 2 llinatges (BA.4 i BA.5) i 72 subllinatges diferents. Els predominants han estat BQ.1.1 (135 casos; 15,6%) i BA.5.2 (115 casos; 13,2%). BQ.1.1 segueix augmentant progressivament.

Durant les setmanes 38-43 s'han detectat 3 recombinants, un cas de XAZ la setmana 41 i dos casos de XBB.1 les setmanes 41 i 42 (taula 2).

A escala global, els casos han disminuït un 40,5% la setmana 43 respecte de la setmana 42 i un 47% respecte de la setmana 41.

El subllinatge BQ.1.1 ha estat el més freqüent durant la setmana 43 (25 casos; 28,4%), seguit de BA.5.2 (7 casos; 8,0%).

(Cal tenir en compte que les dades de la setmana 43 són provisionals).



*Taula 2. Nombre de casos de SARS-CoV-2 d'òmicron segons llinatges i subllinatges més freqüents durant les sis últimes setmanes epidemiològiques. Catalunya, 19 de setembre de 2022 – 30 d'octubre de 2022.*

	setm. 38		setm. 39		setm. 40		setm. 41		setm. 42		setm. 43		Total	
	Casos	%	Casos	%	Casos	%	Casos	%	Casos	%	Casos	%	Casos	%
BA.2.12.1	0	0,0	0	0,0	0	0,0	0	0,0	1	0,7	0	0,0	1	0,1
Altres subllinatges de BA.2	3	2,1	6	4,5	6	3,1	7	4,2	6	4,1	10	11,4	38	4,4
BA.4	0	0,0	0	0,0	1	0,5	0	0,0	0	0,0	1	1,1	2	0,2
Altres subllinatges de BA.4	14	10,0	5	3,8	3	1,6	6	3,6	1	0,7	0	0,0	29	3,3
BA.5	2	1,4	1	0,8	1	0,5	1	0,6	0	0,0	2	2,3	7	0,8
BA.5.1	26	18,6	23	17,3	26	13,5	17	10,2	20	13,5	2	2,3	114	13,1
BA.5.2	24	17,1	25	18,8	32	16,6	15	9,0	12	8,1	7	8,0	115	13,2
BA.5.2.1	33	23,6	18	13,5	23	11,9	9	5,4	11	7,4	1	1,1	95	10,9
BF.7	7	5,0	10	7,5	17	8,8	27	16,3	20	13,5	6	6,8	87	10,0
BQ.1.1	2	1,4	6	4,5	31	16,1	33	19,9	38	25,7	25	28,4	135	15,6
BQ.1	1	0,7	2	1,5	6	3,1	10	6,0	7	4,7	9	10,2	35	4,0
Altres subllinatges de BA.5	27	19,3	37	27,8	47	24,4	40	24,1	31	20,9	25	28,4	207	23,8
Altres subllinatges òmicron	1*	0,7	0	0,0	0	0,0	1**	0,6	1**	0,7	0	0,0	3	0,3
<b>Total</b>	<b>140</b>	<b>100</b>	<b>133</b>	<b>100</b>	<b>193</b>	<b>100</b>	<b>166</b>	<b>100</b>	<b>148</b>	<b>100</b>	<b>88</b>	<b>100</b>	<b>868</b>	<b>100</b>

\*XAZ (recombinant de BA.2.5, BA.5 i BA.2.5)

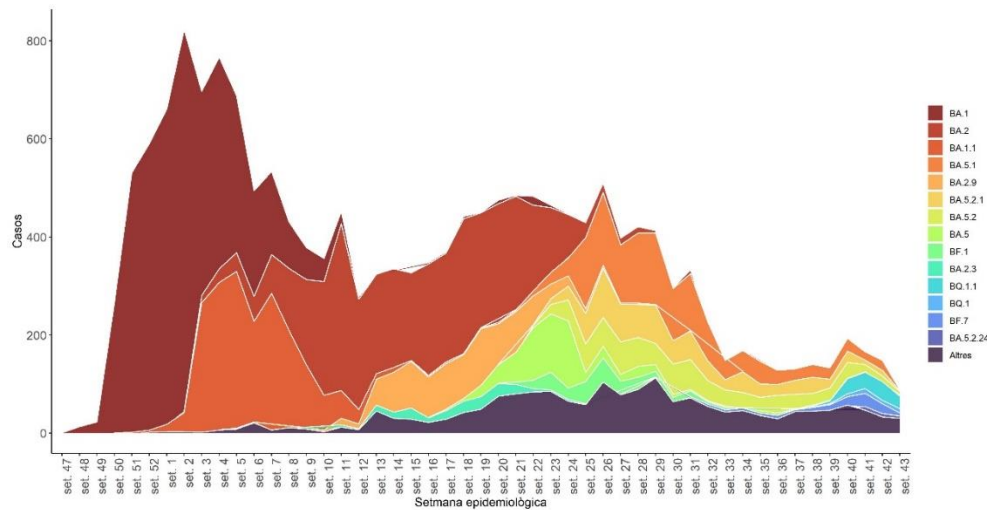
\*\*XBB.1 (recombinant de BA.2.10.1 i BA.2.75)

Font: Sistema de Notificació Microbiològica de Catalunya. Subdirecció General de Vigilància i Resposta a Emergències de Salut Pública. Secretaria de Salut Pública.

En l'anàlisi dels llinatges i subllinatges de la variant òmicron acumulats fins a la setmana 43, s'observa un augment de BA.1 i BA.1.1 fins a la setmana 04, on els casos van començar a disminuir, a la vegada que els casos de BA.2 (inici a la setmana 02) van augmentar progressivament fins a la setmana 11. A partir de la setmana 19 disminueixen i actualment (setmana 43), els subllinatges de BA.2 representen l'11,4% del total de casos (taula 2) (figura 6).

A partir de la setmana 17 s'observa l'aparició de BA.5 i els diferents subllinatges que augmenten progressivament, amb un pic de casos la setmana 26 (501 casos). Des d'aleshores han anat disminuint, a excepció de la setmana 40 on s'observa un increment, amb 77 casos l'última setmana d'estudi (figura 6).

**Figura 6. Nombre de casos dels llinatges i sublinatges d'òmicron més freqüents. Catalunya, 22 de novembre de 2021 – 30 d'octubre de 2022**

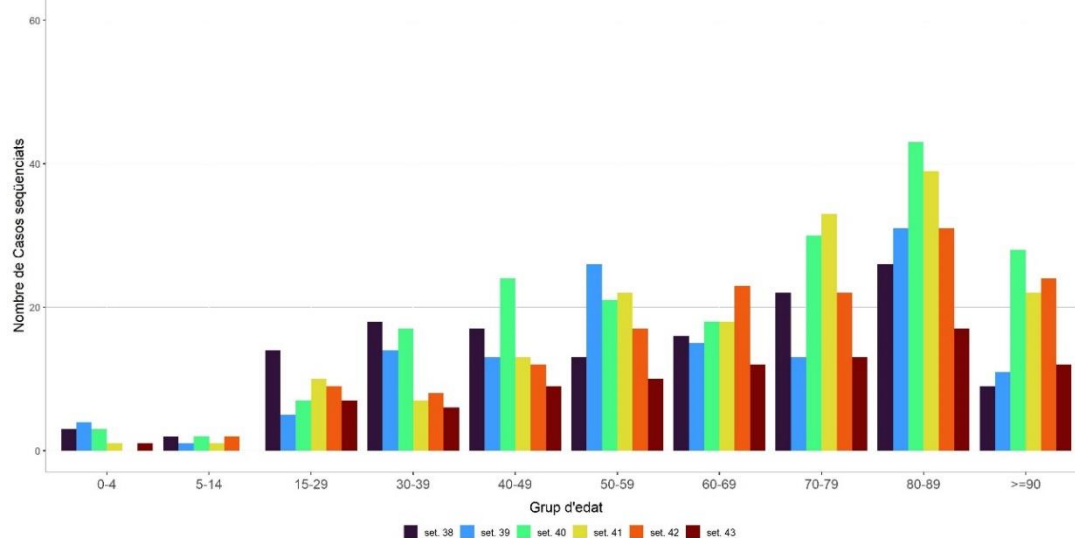


Font: Sistema de Notificació Microbiològica de Catalunya. Subdirecció General de Vigilància i Resposta a Emergències de Salut Pública. Secretaria de Salut Pública.

Els casos de la variant òmicron, han estat més freqüents en les **dones** que en els homes amb percentatges del 57,2% - 67,8% en les setmanes 38-43.

Pel que fa als **grups d'edat**, el 21,6% del total de casos notificats en les darreres sis setmanes pertanyen al grup de 80-89 anys, seguit del grup de 70-79 anys amb el 15,3% dels casos (figura 7).

**Figura 7. Nombre de casos de SARS-CoV-2 per òmicron i grup d'edat. Catalunya, 19 de setembre de 2022 – 30 d'octubre de 2022**



Font: Sistema de Notificació Microbiològica de Catalunya. Subdirecció General de Vigilància i Resposta a Emergències de Salut Pública. Secretaria de Salut Pública.

## **ANNEX 1. CENTRES NOTIFICADORS**

### **SEQÜENCIACIÓ**

Banc de Sang i Teixits

Hospital Clínic

Hospital Universitari Joan XXIII de Tarragona

Hospital Universitari Arnau de Vilanova de Lleida

Hospital Universitari de Bellvitge

Hospital Universitari de Girona Doctor Josep Trueta

Hospital Universitari Germans Trias i Pujol

Hospital Universitari Vall d'Hebron

Laboratori de Referència de Catalunya

### **CRIBRATGE DE LA VARIANT ÒMICRON**

Althaia (Xarxa Assistencial Universitària de Manresa)

CATLAB

Hospital Clínic

Hospital Universitari Arnau de Vilanova de Lleida

Hospital Universitari Joan XXIII de Tarragona

Laboratori Cerba Internacional

Laboratori de Referència de Catalunya

Laboratori Echevarne

Synlab

Teletest

## ANNEX 2. MUTACIONS I CARACTERÍSTIQUES DE CADA VARIANT DEL CORONAVIRUS SARS-CoV-2

### Variants de preocupació (VOC) per a la salut pública

VARIANT	Mutacions d'interès al gen S	País detectat per primer cop	Any i mes del primer cas detectat	Evidència d'impacte en la transmissibilitat	Evidència d'impacte en la immunitat	Evidència d'impacte en la gravetat	Transmissió a UE/EEE
<b>Òmicron (BA.2)</b>	(a)	Sud-àfrica	Novembre 2021	Sí	Sí	Reduïda	Comunitària
<b>Òmicron (BA.4)</b>	L452R, F486V, R493Q	Sud-àfrica	Gener 2022	No	Sí	No	Comunitària
<b>Òmicron (BA.5)</b>	L452R, F486V, R493Q	Sud-àfrica	Febrer 2022	No	Sí	Poc clara	Dominant

a: G142D, N211I, Δ212, V213G, G339D, S371F, S373P, S375F, T376A, D405N, R408S, K417N, N440K, S477N, T478K, E484A, Q493R, Q498R, N501Y, Y505H, D614G, H655Y, N679K, P681H, N764K, D796Y, Q954H, N969K

### Variants d'interès (VOI) per a la salut pública

VARIANT	Mutacions d'interès al gen S	País detectat per primer cop	Any i mes del primer cas detectat	Evidència d'impacte en la transmissibilitat	Evidència d'impacte en la immunitat	Evidència d'impacte en la gravetat	Transmissió a UE/EEE
<b>Òmicron (BA.2.75)</b>	(b)	Índia	Maig 2022	No	Sí	No	Detectada
<b>Òmicron (BQ.1)</b>	K444T, N460K	NC	NC	No	Sí	No	Detectada

b: W152R, F157L, I210V, G257S, D339H, G446S, N460K, Q493 (reversió)

Taula basada en: [pàgina web de les VOC de l'ECDC](#). Data: 26 d'octubre del 2022.

**Elaboració:** Pilar Ciruela, Aurora Sabrià, Jose Maria Velarde, Jacobo Mendioroz.

**Agraïments:** als professionals de la Xarxa del Sistema de Notificació Microbiològica de Catalunya (SNMC) i de la Xarxa de Vigilància Epidemiològica de Catalunya (XVEC).

**Font:** Sistema de Notificació Microbiològica de Catalunya i TAGA-COVID-19 Servei de Prevenció i Control de Malalties Emergents.

Subdirecció General de Vigilància i Resposta a Emergències de Salut Pública.