

INFORME DE VIGILÀNCIA DE LES VARIANTS GENÒMIQUES DEL CORONAVIRUS SARS-CoV-2 A CATALUNYA. Setmana 18 - 2022 (2 – 8 de maig de 2022)

CASOS NOTIFICATS AL SISTEMA DE NOTIFICACIÓ MICROBIOLÒGICA DE CATALUNYA (SNMC)

Resum del més destacat

Cribratge

Segons els resultats del cribratge, el percentatge de casos compatibles amb la variant òmicron ha estat del 95,7% (539 casos) de BA.2 i del 2,4% (25 casos) la setmana 18, i del 97,3% (508 casos) de BA.2 i 1,9% (15 casos) de BA.1 la setmana 17.

Seqüenciació

Durant la **setmana 16**, s'han seqüenciat **266 casos**, la qual cosa representa el **4,6%** del total de casos de coronavirus SARS-CoV-2 amb PCR positiva. El 100,0% dels casos han estat de la variant òmicron.

Òmicron (BA.1 - BA.5)

- El primer cas a Catalunya es va notificar durant la setmana 47.
- Durant les setmanes 11-16 se n'han notificat 1.929: 37 casos de la BA.1 (1,9%), 1.298 casos de BA.2 (67,3%), 2 casos de BA.3 (0,1%) i 1 cas de BA.5 (0,05%).
- Degut a la reclassificació, des de la setmana 12 s'han detectat casos d'altres sublinatges d'òmicron.
- El grup d'edat amb més freqüència ha estat el de 70-79 anys (16,5%), seguit del grup de 80-89 anys (15,5%).

Delta (B.1.617.2)

- Des del primer cas notificat a Catalunya (16 d'abril de 2021), la presència d'aquesta variant ha anat augmentant de forma important fins a la setmana 51, on ha estat desplaçada per la variant òmicron.
- Durant les setmanes 11-16 se n'ha detectat 1 cas.

La vigilància de les variants del SARS-CoV-2 té interès per a la salut pública, ja que aquestes poden tenir més transmissibilitat, ser més virulentes i ocasionar que la malaltia sigui més greu o que tingui més mortalitat, o també poden escapar de l'efecte dels anticossos adquirits després d'una infecció natural o de la vacunació. Així doncs, és important conèixer les variants que es troben a cada territori per tal de saber la prevalença de les variants circulants, la situació epidemiològica i avaluar les mesures de salut pública que s'hagin de prendre en cas necessari.

Les variants del SARS-CoV-2 es classifiquen en dues categories: les variants de preocupació (VOC, *variants of concern*) i les variants d'interès (VOI, *variants of interest*).

Una variant del SARS-CoV-2 és una VOI si té un genoma amb mutacions que condueixen a canvis d'aminoàcid que poden incloure canvis en l'epidemiologia, antigenicitat o virulència, o canvis que tenen un impacte negatiu en el diagnòstic, les vacunes, les teràpies o les mesures socials i de salut pública; si s'ha identificat que causa múltiples casos de transmissió comunitària o s'ha detectat en diversos països.

Una VOI del SARS-CoV-2 passa a ser una VOC si s'ha demostrat que, a més, està associada a un augment de la transmissibilitat o canvi perjudicial en l'epidemiologia de la COVID-19, un augment de la virulència o canvi en la presentació clínica de la malaltia, o una disminució de l'eficàcia de les mesures socials i de salut pública (diagnòstic, tractament i vacunes).

Actualment, tant per l'Organització Mundial de la Salut (OMS)¹ com pel Centre Europeu per a la Prevenció i el Control de Malalties (ECDC)², les variants considerades VOC són la delta (B.1.617.2) i l'òmicron (actualment comprèn els llinatges: BA.1, BA.2, BA.3, BA.4 i BA.5 i els subllinatges derivats d'aquests). Les variants alfa (B.1.1.7), beta (B.1.351) i gamma (P.1) van deixar de ser VOC el 9 de març del 2022.

Per saber la prevalença de les variants circulants a Catalunya es fa una vigilància de seqüenciació amb mostres aleatòries i una vigilància dirigida –indicada des de la Xarxa de Vigilància Epidemiològica de Catalunya (XVEC)– de les situacions rellevants per a la salut pública que ajudin a entendre el context dels casos que tenen més transmissibilitat, persones amb sospita de reinfeccions o vacunades, entre d'altres, per tal de poder confirmar la variant, el llinatge o el subllinatge.

¹ [Tracking SARS-CoV-2 variants \(WHO\)](#)

² [SARS-CoV-2 variants of concern \(ECDC\)](#)

Amb aquesta finalitat, la Subdirecció General de Vigilància i Resposta a Emergències de Salut Pública coordina la vigilància de les variants del SARS-CoV-2 amb els laboratoris que fan seqüenciació (parcial o completa) del genoma del coronavirus SARS-CoV-2. Les seqüenciacions i els cribratges dels casos els han fet els centres que consten a l'annex 1 i els resultats d'aquests s'han notificat al Sistema de Notificació Microbiològica de Catalunya (SNMC). Per a més informació del procediment, podeu consultar el protocol [Vigilància de noves variants de SARS-CoV-2: integració de la seqüenciació genòmica del SARS-CoV-2 al sistema de vigilància a Catalunya](#).

Segons els resultats de cribratge, el percentatge de casos compatibles amb la variant òmicron ha estat del 95,7% (539 casos, 6 centres) de BA.2 i 2,4% (25 casos, 11 centres) de BA.1 la setmana 18 (2 - 8 de maig de 2022), i del 97,3% (508 casos, 7 centres) de BA.2 i 1,9% (15 casos, 12 centres) de BA.1 la setmana 17 (25 abril - 1 maig de 2022), respecte del nombre total de PCR positives fetes amb una PCR capaç de detectar aquesta variant.

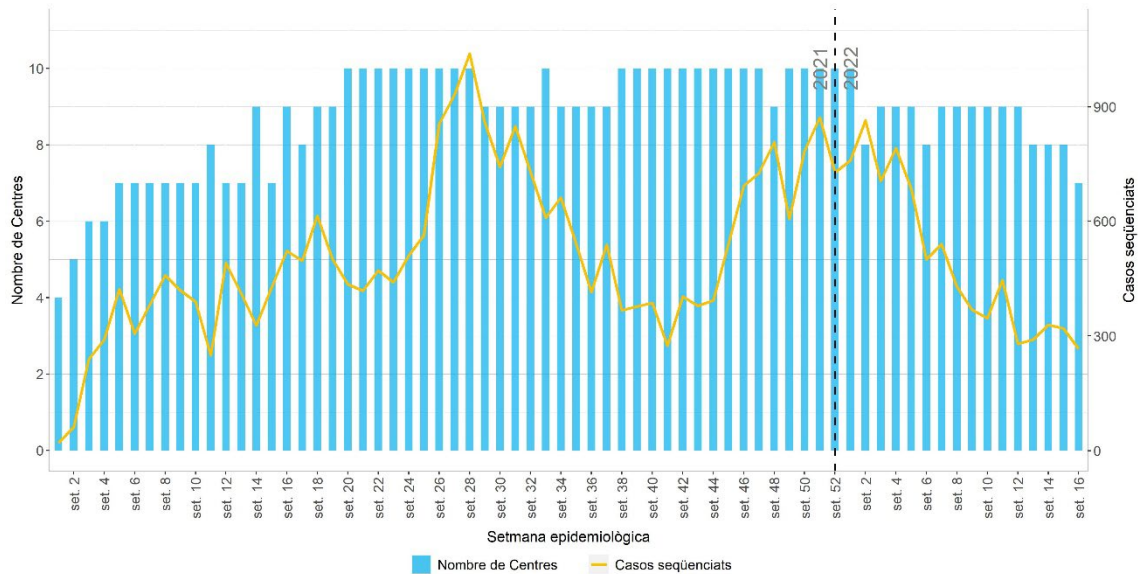
Des del 4 de gener del 2021 fins al 8 de maig de 2022 (setmana 18) s'han analitzat els casos seqüenciats notificats pels centres de forma individualitzada de les variants del SARS-CoV-2. Cal tenir en compte que els resultats de seqüenciació es notifiquen amb uns 15 dies de retard des del diagnòstic.

Les variables epidemiològiques analitzades han estat les següents: edat, sexe, setmana de diagnòstic i servei de vigilància epidemiològica (SVE).

Els casos notificats s'han extret del repositori VARCO i estan validats, depurats i contrastats amb els casos confirmats per PCR obtinguts del registre TAGA-COVID-19.

Durant el període d'estudi **s'han seqüenciat 34.874 casos**. El nombre de seqüenciacions va augmentar en les primeres setmanes, amb un pic màxim la setmana 28 (1.028 casos). A partir d'aquí van anar disminuint fins a arribar a 273 casos la setmana 41. Des d'aleshores, el nombre de seqüenciacions va tornar a augmentar fins a la setmana 51 (839 casos) (figura 1) i han anat disminuint progressivament.

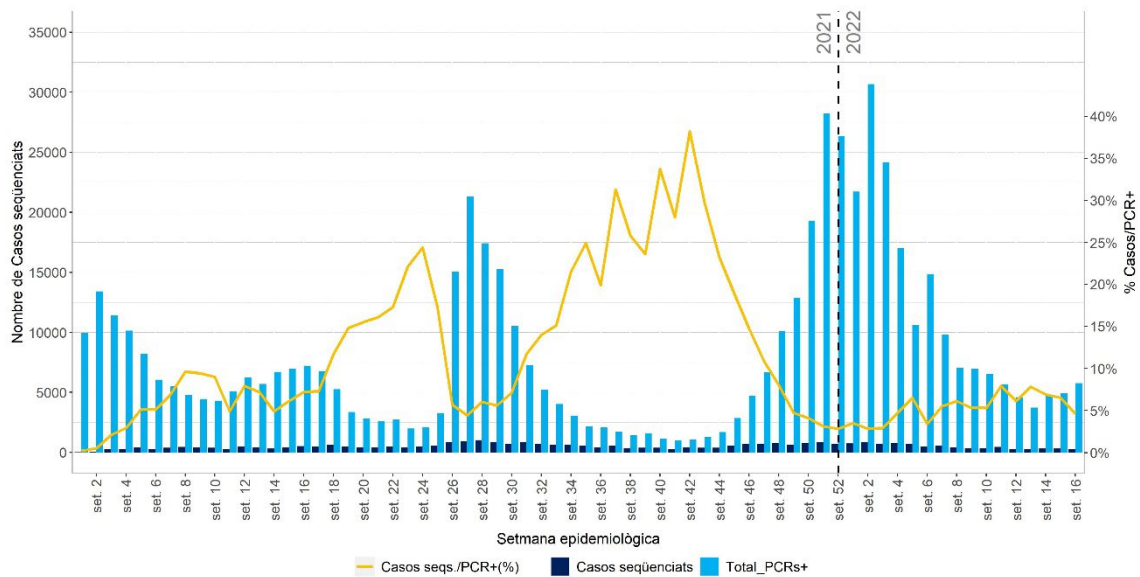
Figura 1. Nombre de casos de SARS-CoV-2 seqüenciats per nombre de centres declarants. Catalunya, 4 de gener de 2021- 24 d'abril de 2022



Font: Sistema de Notificació Microbiològica de Catalunya. Subdirecció General de Vigilància i Resposta a Emergències de Salut Pública. Secretaria de Salut Pública.

Durant les setmanes 14 (4-10 d'abril), 15 (11-17 d'abril) i 16 (18-24 d'abril) s'ha fet la seqüenciació completa dels casos de SARS-CoV-2 positius per PCR a 329 mostres (6,9%), 319 mostres (6,5%) i 266 mostres (4,6%) del total de casos, respectivament (figura 2).

Figura 2. Nombre i percentatge de casos de SARS-CoV-2 seqüenciats per setmanes. Catalunya, 4 de gener de 2021 - 24 d'abril de 2022



Font: Sistema de Notificació Microbiològica de Catalunya. Subdirecció General de Vigilància i Resposta a Emergències de Salut Pública. Secretaria de Salut Pública.

El percentatge de seqüenciació ha estat molt heterogeni entre els SVE i ha anat canviant al llarg dels mesos. Durant l'abril, l'SVE amb més percentatge de seqüenciació respecte a casos de SARS-CoV-2 amb PCR positiva ha estat Barcelonès Nord i Maresme (8,0%), seguit de Girona (6,6%) (taula 1).

Taula 1. Nombre de casos de SARS-CoV-2 seqüenciats i percentatge per SVE i mes de diagnòstic. Catalunya, 4 de gener de 2021 – 24 d'abril de 2022

		Barcelona Zona Sud		Barcelonès Nord - Maresme		Catalunya Central		Ciutat Barcelona		Girona		Lleida		Tarragona		Terres de l'Ebre		Vallès	
		Casos	%	Casos	%	Casos	%	Casos	%	Casos	%	Casos	%	Casos	%	Casos	%	Casos	%
2021	Total	3168	5,3%	5569	13,5%	1525	5,7%	5975	7,4%	2633	8,1%	792	3,5%	907	4,2%	138	2,8%	4596	5,7%
	Gener	373	2,6%	517	5,1%	191	3,6%	1174	5,2%	351	4,5%	26	0,5%	117	2,2%	12	0,9%	391	1,7%
2022	Febrer	330	5%	384	9,2%	120	4,9%	415	4,6%	206	6,5%	143	5,2%	32	1,1%	12	1,5%	406	4,9%
	Març	337	8,9%	224	9,1%	65	4,8%	291	5,1%	176	8,8%	71	4,7%	34	1,7%	7	1,2%	302	5,8%
	Abril	196	5%	207	8%	40	3,1%	122	2,2%	133	6,6%	52	4,4%	26	2,1%	8	1,8%	188	4,7%

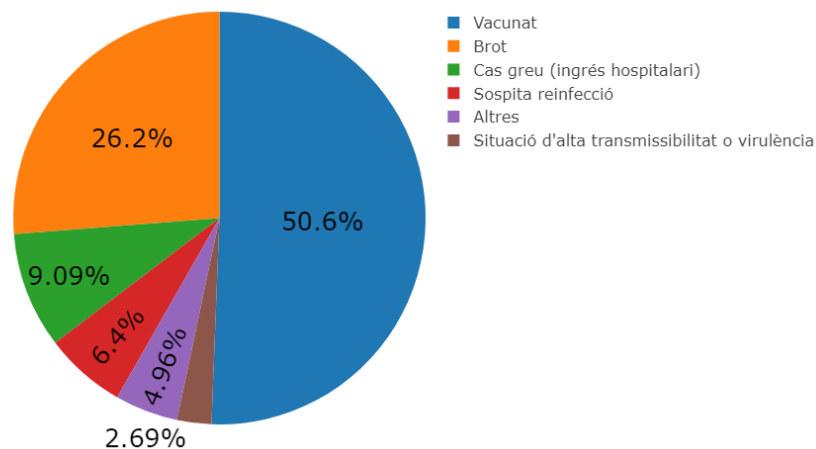
Font: Sistema de Notificació Microbiològica de Catalunya. Subdirecció General de Vigilància i Resposta a Emergències de Salut Pública. Secretaria de Salut Pública.

Motius de seqüenciació

Dels casos seqüenciats dels quals ha estat notificat el tipus de seqüenciació (32.073 casos), el 71,2% ha estat aleatori i el 28,8% no aleatori. D'aquests últims, el motiu de seqüenciació no aleatori més freqüent ha estat "vacunació", amb 6.010 casos (65,1%).

Durant les setmanes 11-16, el motiu de seqüenciació no aleatori més freqüent ha estat "vacunació" (27,9%-72,2%), seguit de "brot" (10,3%-47,5%) (figura 3).

Figura 3. Motiu de seqüenciació no aleatòria pels casos de les últimes sis setmanes. Catalunya, 14 de març – 24 d'abril de 2022



Font: Sistema de Notificació Microbiològica de Catalunya. Subdirecció General de Vigilància i Resposta a Emergències de Salut Pública. Secretaria de Salut Pública.

Variants de preocupació (VOC, *variants of concern*)

La variant delta (B.1.617.2) va ser detectada per primer cop a l'Índia a l'octubre del 2020. El 16 d'abril de 2021 es va notificar el primer cas de B.1.617.2 a Catalunya. Aquesta variant conté unes 13-15 mutacions (annex 2).

El 24 de novembre de 2021, Sud-àfrica va notificar a l'OMS una nova variant, l'anomenada òmicron, que actualment engloba els llinatges BA.1-BA.5 (annex 2). Aquesta variant presenta una gran quantitat de mutacions a la proteïna de l'espícula (més de 30), de les quals la deleció 69/70 és present a BA.1, BA.3, BA.4 i BA.5 però no a BA.2. A Catalunya, el 28 de novembre de 2021 se'n va notificar el primer cas.

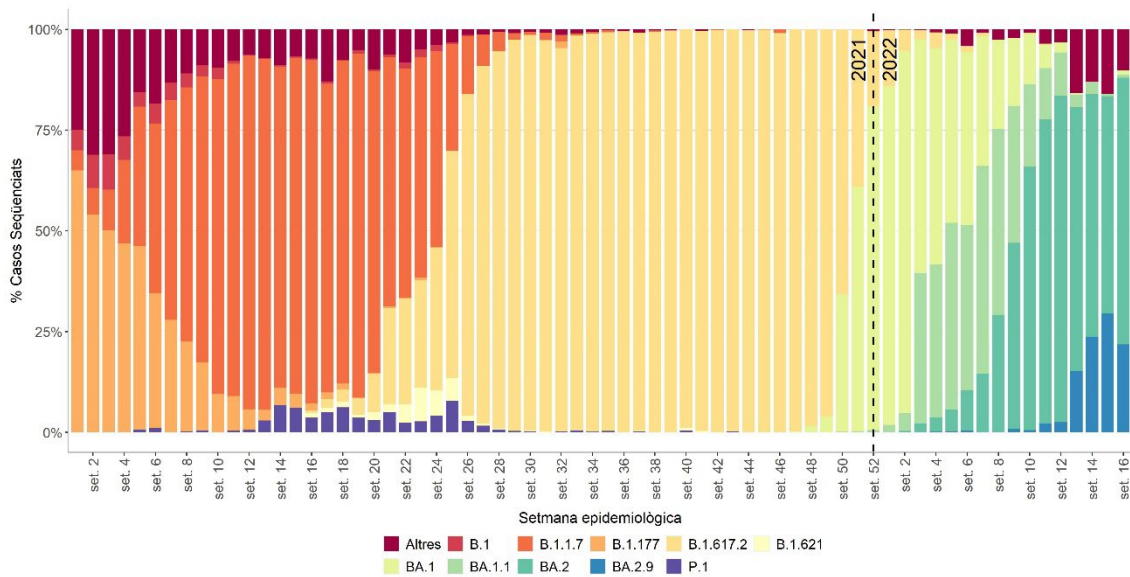
Del total de casos seqüenciats des del 4 de gener de 2021 (34.874 casos), el 93,3% (n = 32.537) han estat alfa, beta, gamma, delta o òmicron, i el 6,7% (n = 2.337) VOI.

A l'inici del 2021 es va observar un augment progressiu dels casos per la variant alfa, amb un pic màxim la setmana 18 (490 casos), i a partir de la setmana 20 van anar disminuint de forma important (figures 3 i 4). L'últim cas es va notificar durant la setmana 46.

Des de la setmana 26 i 43 del 2021 no s'ha detectat cap cas de variant beta ni de variant gamma, respectivament.

Els primers casos de la variant delta es van detectar durant la setmana 16 del 2021 (3 casos). Des d'aleshores ha presentat un creixement notable superant la variant alfa a la setmana 25, i és la variant predominant fins a la setmana 50. La variant òmicron va ser detectada per primer cop a la setmana 47 i des de llavors ha presentat un increment exponencial, en què es converteix en la variant predominant des de la setmana 51 (figura 4 i 5, taula 3).

Figura 4. Percentatge dels casos dels 10 llinatges i variants del SARS-CoV-2 més freqüents per setmana. Catalunya, 4 de gener de 2021 – 24 d'abril de 2022



Font: Sistema de Notificació Microbiològica de Catalunya. Subdirecció General de Vigilància i Resposta a Emergències de Salut Pública. Secretaria de Salut Pública.

Degut a la reclassificació dels diferents llinatges, a la setmana 12 s'han classificat en nous. Aquesta reclassificació de forma constant pot fer que les dades anteriors a la setmana 12 poden estar no actualitzades segons les reclassificacions de GISAID. En les darreres 6 setmanes (11-16) s'han detectat 1 cas de delta, 4 llinatges (BA.1, BA.2, BA.3 i BA.5) i 19 subllinatges diferents de la variant òmicron, i 2 casos del llinatge XE (combinació de BA.1 i BA.2) (taula 3).

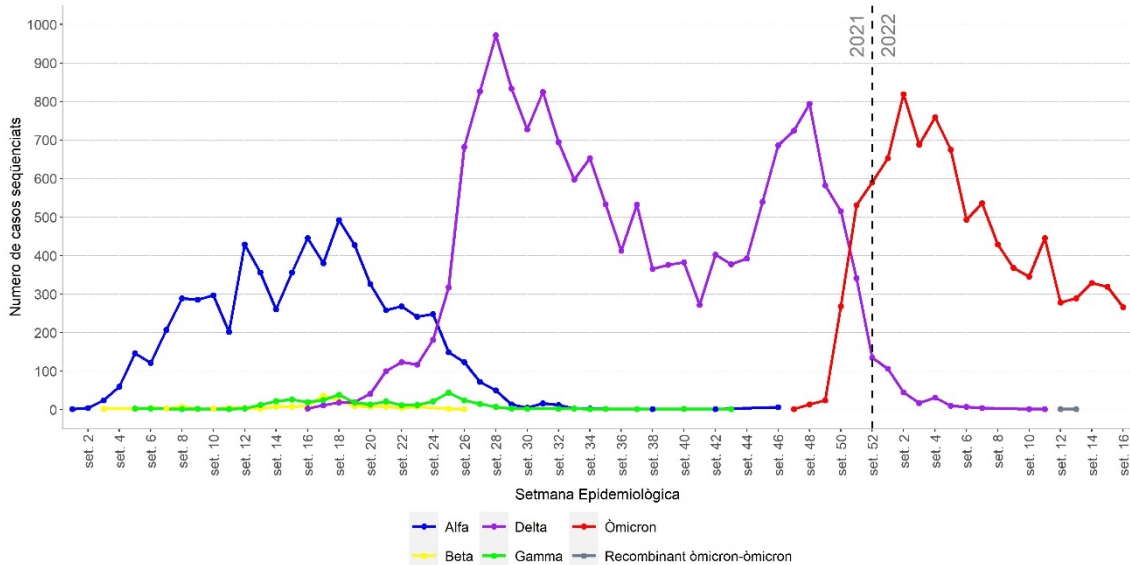


Taula 3. Nombre de casos de SARS-CoV-2 segons les variants durant les sis últimes setmanes epidemiològiques. Catalunya, 14 de març de 2022 – 24 d'abril de 2022

	set. 11		set. 12		set. 13		set. 14		set. 15		set. 16	
	Casos	%	Casos	%	Casos	%	Casos	%	Casos	%	Casos	%
B.1.617.2	1	0,2%	0	0%	0	0%	0	0%	0	0%	0	0%
BA.1	26	5,8%	7	2,5%	1	0,3%	0	0%	0	0%	3	1,1%
BA.1.1	57	12,8%	30	10,8%	9	3,1%	10	3%	2	0,6%	2	0,8%
BA.1.1.1	9	2%	0	0%	5	1,7%	6	1,8%	0	0%	0	0%
BA.1.1.14	0	0%	0	0%	1	0,3%	1	0,3%	0	0%	0	0%
BA.1.15	0	0%	1	0,4%	8	2,8%	0	0%	1	0,3%	0	0%
BA.1.17	2	0,4%	3	1,1%	11	3,8%	5	1,5%	5	1,6%	1	0,4%
BA.2	336	75,3%	226	81%	190	65,5%	198	60,2%	172	53,9%	176	66,2%
BA.2.1	0	0%	1	0,4%	2	0,7%	2	0,6%	7	2,2%	7	2,6%
BA.2.10	0	0%	0	0%	7	2,4%	0	0%	0	0%	0	0%
BA.2.12	0	0%	0	0%	0	0%	1	0,3%	0	0%	2	0,8%
BA.2.18	0	0%	0	0%	0	0%	0	0%	0	0%	1	0,4%
BA.2.2	0	0%	0	0%	1	0,3%	2	0,6%	2	0,6%	0	0%
BA.2.23	0	0%	0	0%	0	0%	0	0%	0	0%	1	0,4%
BA.2.3	5	1,1%	2	0,7%	10	3,4%	13	4%	23	7,2%	6	2,3%
BA.2.3.2	0	0%	0	0%	0	0%	8	2,4%	5	1,6%	1	0,4%
BA.2.31	0	0%	1	0,4%	0	0%	0	0%	0	0%	1	0,4%
BA.2.5	0	0%	0	0%	0	0%	0	0%	4	1,3%	0	0%
BA.2.6	0	0%	0	0%	0	0%	1	0,3%	0	0%	1	0,4%
BA.2.7	0	0%	0	0%	0	0%	3	0,9%	4	1,3%	3	1,1%
BA.2.8	0	0%	0	0%	0	0%	0	0%	0	0%	1	0,4%
BA.2.9	10	2,2%	7	2,5%	44	15,2%	78	23,7%	94	29,5%	58	21,8%
BA.3	0	0%	0	0%	0	0%	1	0,3%	0	0%	1	0,4%
BA.5	0	0%	0	0%	0	0%	0	0%	0	0%	1	0,4%
XE	0	0%	1	0,4%	1	0,3%	0	0%	0	0%	0	0%
Total	446	100%	279	100%	290	100%	329	100%	319	100%	266	100%

Font: Sistema de Notificació Microbiològica de Catalunya. Subdirecció General de Vigilància i Resposta a Emergències de Salut Pública. Secretaria de Salut Pública.

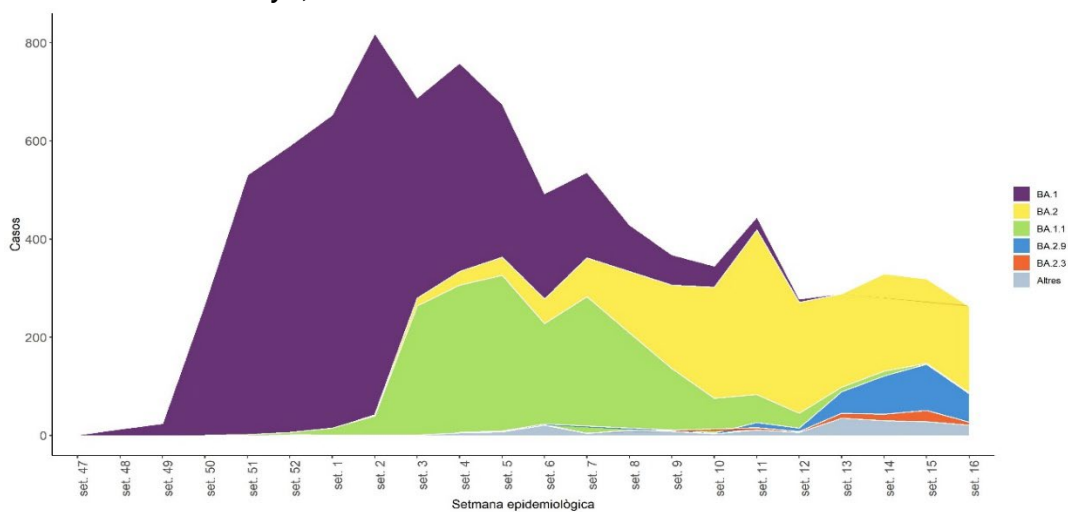
Figura 5. Nombre de casos de SARS-CoV-2 segons VOC i setmana. Catalunya, 4 de gener de 2021 – 24 d'abril de 2022



Font: Sistema de Notificació Microbiològica de Catalunya. Subdirecció General de Vigilància i Resposta a Emergències de Salut Pública. Secretaria de Salut Pública.

En l'anàlisi dels llinatges de la **variant òmicron** acumulats fins a la setmana 16, s'observa un augment de BA.1 i BA.1.1 fins a la setmana 04, on els casos van començar a disminuir, a la vegada que els casos de BA.2 (inici a la setmana 02) van augmentar progressivament fins la setmana 11. Actualment (setmana 16), aquest llinatge representa el 66,2% del total de casos. Degut a la reclassificació de GISAID des de la setmana 12, s'observa un augment de casos del BA.2.9 (figura 6).

Figura 6. Nombre de casos per llinatges d'òmicron. Catalunya, 22 de novembre de 2021 – 24 d'abril de 2022

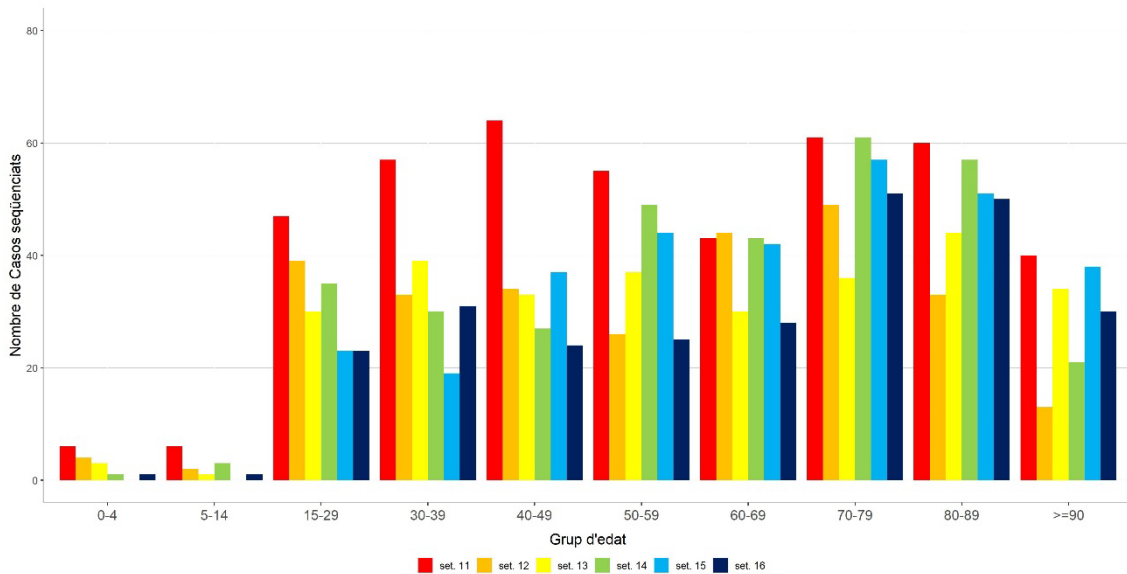


Font: Sistema de Notificació Microbiològica de Catalunya. Subdirecció General de Vigilància i Resposta a Emergències de Salut Pública. Secretaria de Salut Pública.

D'aquesta variant, les **dones** han estat més freqüents que els homes amb un percentatge per a les setmanes 11-16 del 55,4% - 63,5%.

Pel que fa als **grups d'edat**, el 16,5% del total de casos notificats en les darreres sis setmanes pertanyen al grup de 70-79 anys seguit del grup de 80-89 anys amb un 15,5% dels casos (figura 7).

Figura 7. Nombre de casos de SARS-CoV-2 per òmicron i grup d'edat. Catalunya, 14 de març de 2022 – 24 d'abril de 2022



Font: Sistema de Notificació Microbiològica de Catalunya. Subdirecció General de Vigilància i Resposta a Emergències de Salut Pública. Secretaria de Salut Pública.

ANNEX 1. CENTRES NOTIFICADORS

SEQÜENCIACIÓ

Banc de Sang i Teixits

Hospital Clínic

Hospital Universitari Joan XXIII de Tarragona

Hospital Universitari Arnau de Vilanova de Lleida

Hospital Universitari de Bellvitge

Hospital Universitari de Girona Doctor Josep Trueta

Hospital Universitari Germans Trias i Pujol

Hospital Universitari Vall d'Hebron

Laboratori de Referència de Catalunya

CRIBRATGE DE LA VARIANT DELTA O ÒMICRON

Althaia (Xarxa Assistencial Universitària de Manresa)

CATLAB

Hospital Clínic

Hospital Universitari Arnau de Vilanova de Lleida

Hospital Universitari de Bellvitge

Hospital Universitari Joan XXIII de Tarragona

Hospital Universitari Sant Joan de Reus

Laboratori Cerba Internacional

Laboratori de Referència de Catalunya

Laboratori Echevarne

Synlab

Teletest

ANNEX 2. MUTACIONS I CARACTERÍSTIQUES DE CADA VARIANT DEL CORONAVIRUS SARS-CoV-2

Principals variants de preocupació (VOC) per a la salut pública

VARIANT	Mutacions d'interès	País detectat per primer cop	Any i mes del primer cas detectat	Evidència d'impacte en la transmissibilitat	Evidència d'impacte en la immunitat	Evidència d'impacte en la gravetat	Transmissió a UE/EEE
Delta (B.1.617.2 i llinatges AY)	L452R, T478K, D614G, P681R	Índia	Desembre 2020	Sí	Sí	Sí	Comunitària
Òmicron (B.1.1.529)*	**	Sud-àfrica i Botswana	Novembre 2021		Sí		Dominant

*Inclou BA.1, BA.2, BA.3, BA.4, BA.5 i llinatges descendents. També inclou formes recombinants circulants BA.1/BA.2 com XE.

**A67V, Δ69-70, T95I, G142D, Δ143-145, Δ211, ins214EPE, G339D, S371L, S373P, S375F, K417N, N440K, G446S, S477N, T478K, E484A, Q493R, G496S, Q498R, N501Y, Y505H, T547K, D614G, H655Y, N679K, P681H, N764K, D796Y, N856K, Q954H, N969K, L981F

Taula basada en: [European Centre for Disease Prevention and Control](https://www.ecdc.europa.eu/en/covid-19/variants-disease). Data: 19 d'abril del 2022.

Variants d'interès (VOI)

Actualment, no hi ha variants d'interès.

Elaboració: Pilar Ciruela, Aurora Sabrià, Carolina Ferrer, Sergi Mendoza, Montserrat Piqué, Jacobo Mendioroz.

Agraïments: als professionals de la Xarxa del Sistema de Notificació Microbiològica de Catalunya (SNMC) i de la Xarxa de Vigilància Epidemiològica de Catalunya (XVEC).

Font: Sistema de Notificació Microbiològica de Catalunya i TAGA-COVID-19

Servei de Prevenció i Control de Malalties Emergents.

Subdirecció General de Vigilància i Resposta a Emergències de Salut Pública.